



Università degli Studi di Genova

DISC

Dipartimento di Scienze Chirurgiche e Diagnostiche Integrate

Titolo Caratterizzazione molecolare mediante <i>whole-genome-sequencing</i> di isolati clinici di <i>Enterococcus faecium</i> resistenza alla vancomicina.	SSD: MED/07 – Microbiologia e Microbiologia Clinica	Responsabile della ricerca: Vincenzo Di Pilato
Finanziamento	FRA 2019	
Riassunto	<p>La diffusione di batteri patogeni multi-resistenti (MDR) rappresenta una minaccia crescente a livello ospedaliero che ha ormai assunto le dimensioni di un grave problema di salute pubblica. Gli Enterococchi resistenti alla vancomicina (VRE), principalmente <i>Enterococcus faecium</i>, sono tra i germi MDR che più di frequente causano infezioni gravi in ambito nosocomiale e sono considerati dall'Organizzazione Mondiale della Sanità come patogeni verso i quali risulta prioritario intraprendere azioni concrete per limitarne la diffusione.</p> <p>Per meglio comprendere le dinamiche di diffusione dei VRE, al fine di implementare efficaci programmi di sorveglianza, di controllo e di terapia empirica, risultano fondamentali studi di genotipizzazione. Ad oggi, il sequenziamento dell'intero cromosoma batterico (<i>whole-genome sequencing</i>, WGS) mediante nuove tecnologie di sequenziamento rappresenta la metodica <i>gold-standard</i> per la genotipizzazione batterica [7,8]. Attraverso il WGS tutta l'informazione genetica del microorganismo è resa disponibile, ed è possibile ottenere importanti informazioni circa le caratteristiche filogenetiche dei microrganismi patogeni (presenza di cloni batterici definiti ad alto rischio) e circa l'epidemiologia molecolare dei geni di virulenza e di resistenza agli antibiotici, soprattutto quelli di ultima risorsa (ad esempio oxazolidinoni).</p> <p>Lo scopo di questo progetto è quello di caratterizzare, utilizzando un approccio WGS, ceppi di VRE isolati da emocoltura presso l'Ospedale Policlinico S. Martino, al fine di comprenderne le dinamiche di diffusione e l'epidemiologia molecolare dei meccanismi di resistenza ai glicopeptidi ed agli antibiotici di ultima introduzione</p>	
Link al protocollo		